

pieczętka Oferenta

FORMULARZ OFERTOWO-CENOWY
ZADANIE NR 2
BADANIA GENETYCZNE WRAZ Z KONSULTACJĄ RODOWODOWO-KLINICZNĄ DO OCENY
DZIEDZICZNEGO RYZYKA ROZWOJU CHOROÓB NOWOTWOROWYCH

Tabela nr 2

L.p.	Rodzaj badania	Szacunkowa liczba badań / 12 mc. *	Maksymalny czas oczekiwania na wynik (w dniach)	Cena netto za wykonanie jednego badania**	Wartość netto za badania
1.	Gen BRCA1 c.181T/G (300T/G); c.4035delA (4153delA); c.5266dupC (5382insC); c.68_69delAG (185dAG); c.3700_3704delGTAAA (3819del5). Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA)	500	30		
2.	Gen PALB2 c.509_510delGA; c.172_175delTTGT. Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA)	300	30		
3.	Gen CHEK2 c.1100delC; c.444+1G>A (IVS2+1G>A); c.470T>C (I 157T); 5395del (ex 9-10del). Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA)	500	30		
4.	Geny BRCA1, PALB2, CHEK2 (w przypadku niewykrycia uprzednio żadnej z najczęstszych w polskiej populacji mutacji w wyżej wymienionych genach) oraz gen BRCA2, wykonywanego metodami biologii molekularnej z zastosowaniem techniki sekwencjonowania nowej generacji (NGS)	50	60		
5.	Badanie w kierunku wykrycia nosicielstwa konkretnej, zidentyfikowanej w rodzinie mutacji, wykonywanego metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA w jednym z genów: BRCA1, BRCA2, PALB2, CHEK2.	200	30		
6.	TWR-APC: Gen APC c.1490_1491insT; c.1500T>A; c.2626C>T, c.2932C>T, c.3183_3187delACAAA, c.3202_3205delTCAA; c.3927_3931delAAAGA. Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA.	5	30		
7.	Test wysokiego ryzyka raka jelita grubego i raka trzonu macicy	50	30		

	TWR-COL: Geny MLH1 c.67delG; c. 83C>T; c.184C>T; c.199G>A; c.332C>T; c.545+3A>G; c.546-2A>G; c.677G>A; c.677G>T; c.1252_1253delGA; c.1489dupC; c.1731G>A; c.2041G>A; c.2059C>T, MSH2 c.942+3A>T; c.1204C>T; c.1215C>A; c.1216C>T; c.2210+1G>C; MSH6 c.3959_3962delCAAG. Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA)				
8.	NGS HiRisk Jelito: Geny APC, EPCAM, MLH1, MUTYH, MSH2, MSH6, PTEN, PMS2, STK11, SMAD4, BMPR1A. Badanie mutacji wykonywanego metodami biologii molekularnej z zastosowaniem techniki sekwencjonowania nowej generacji (NGS)	30	60		
9.	Badanie w kierunku wykrycia nosicielstwa konkretnej, zidentyfikowanej w rodzinie mutacji, wykonywanego metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA w jednym z genów: APC, MLH1, MSH2, MSH6, PMS2, STK11, SMAD4, BMPR1A, MUTYH, EPCAM, PTEN	50	30		
10.	Test wysokiego ryzyka raka piersi, jajnika, prostaty, trzustki :TWR-BR. Geny BRCA1 c.3756_3759delGTCT (3875 del4); c.1687C>T (1806 C/T); c.5251C>T (5370 C/T); c.676delT (794delT); c.658_659delGT (886delGT); BRCA2 c.7910_7914delCCTTT (8138del5); c.3847_3848delGT (4075delGT); c.5946delT (6174 delT). Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA)	120	30		
11.	Gen BRCA2 c. 5744C>T (5972C/T). Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA	50	30		
12.	Gen CDKN2A(P16) c.442G>A (A148T). Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA	30	30		
13.	Gen NOD2 c.3020insC .Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA	60	30		
14.	Gen NBN c.657_661delACAAA; (657del5); c. 553GG. Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA	30	30		
15.	Gen ATRIP c.1152_1155del .Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA	30	30		
16.	Gen RECQL c.1665-1668delTAAG. Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA	30	30		
17.	Test wysokiego ryzyka raka prostaty: TWR-PR:	30	30		

	geny HOXB13 (G84E); 8q24 (rs188140481). Badania wykonywane metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA				
18.	NGS HiRisk : geny APC, ATM, BRCA1, BRCA2, CDH1, CDKN2A, CHEK2, MLH1, MUTYH, MSH2, MSH6, NBN, PALB2, PTEN, PMS2, RAD51C, RAD51D, STK11, TP53. Badanie mutacji wykonywanego metodami biologii molekularnej z zastosowaniem techniki sekwencjonowania nowej generacji (NGS)	30	60		
19.	Badanie w kierunku wykrycia nosicielstwa konkretnej, zidentyfikowanej w rodzinie mutacji, wykonywanego metodami biologii molekularnej (PCR i jej modyfikacje, RFLP, sekwencjonowanie Sangera, MLPA w jednym z genów ATM, , CDH1, CDKN2A, NBN, RAD51C, RAD51D, TP53	50	30		

* Liczba badań jest zależna od rzeczywistych potrzeb Udzielającego zamówienia.

**** OFEROWANA CENA BADANIA WINNA OBEJMOWAĆ WYKONANIE BADANIA MOLEKULARNEGO WRAZ Z PISEMNĄ KONSULTACJĄ RODOWODOWO-KLINICZNĄ I ZALECENIAMI DLA PACJENTA ORAZ KOMPLEKSOWE KOSZTY, W TYM RÓWNIEŻ KOSZT TRANSPORTU MATERIAŁU DO BADANIA ORAZ DOSTARCZENIA WYNIKU WRAZ Z POZOSTAŁYM MATERIAŁEM (transport tam i z powrotem) ORAZ OBSŁUGĘ INFORMATYCZNĄ.**

- Dane kontaktowe - numer telefonu, adres e-mail - na które należy zgłaszać konieczność wykonania wyżej wymienionych badań (należy wypełnić)

.....

- Opis sposobu odbioru materiału na badania oraz dostarczenia wyników (należy wypełnić):

.....

.....
 podpis i pieczęć
 Oferenta lub osoby upoważnionej

